



LÍNEA DE INVESTIGACIÓN: Mecanismos Moleculares Implicados en la Susceptibilidad a Padecer Esclerosis Múltiple

Investigadora Principal: Dra. Fuencisla Matesanz del Barrio
(lindo@ipb.csic.es)

Instituto de Parasitología y Biomedicina "López Neyra" (IPBLN-CSIC). PTS. 18016
Granada.

PUBLICACIONES RECIENTES

A new risk variant for multiple sclerosis at the immunoglobulin heavy chain locus associates with intrathecal IgG, IgM index and oligoclonal bands. Delgado-García M, Matesanz F, Alcina A, Fedetz M, García-Sánchez MI, Ruiz-Peña JL, Fernández O, Pinto Medel MJ, Leyva L, Arnal C, Delgado C, López Guerrero JA, González-Pérez A, Sáez ME, Villar LM, Alvarez-Cermeño JC, Picón C, Arroyo R, Varadé J, Urcelay E, Izquierdo G, Lucas M. *Mult Scler.* 2014 Nov 12.

MANBA, CXCR5, SOX8, RPS6KB1 and ZBTB46 are genetic risk loci for multiple sclerosis. International Multiple Sclerosis Genetics Consortium, Lill CM, Schjeide BM, Graetz C, Ban M, Alcina A, Ortiz MA, Pérez J, Damotte V, Booth D, Lopez de Lapuente A, Broer L, Schilling M, Akkad DA, Aktas O, Alloza I, Antigüedad A, Arroyo R, Blaschke P, Buttman M, Chan A, Compston A, Cournu-Rebeix I, Dörner T, Epplen JT, Fernández Ó, Gerdes LA, Guillot-Noël L, Hartung HP, Hoffjan S, Izquierdo G, Kempainen A, Kroner A, Kubisch C, Kümpfel T, Li SC, Lindenberger U, Lohse P, Lubetzki C, Luessi F, Malhotra S, Mescheriakova J, Montalban X, Papeix C, Paredes LF, Rieckmann P, Steinhagen-Thiessen E, Winkelmann A, Zettl UK, Hintzen R, Vandenbroeck K, Stewart G, Fontaine B, Comabella M, Urcelay E, Matesanz F, Sawcer S, Bertram L, Zipp F. *Brain.* 2013 Jun;136(Pt 6):1778-82. doi: 10.1093/brain/awt101.

Fine mapping and functional analysis of the multiple sclerosis risk gene CD6. Swaminathan B, Cuapio A, Alloza I, Matesanz F, Alcina A, García-Barcina M, Fedetz M, Fernández O, Lucas M, Orpez T, Pinto-Medel MJ, Otaegui D, Olascoaga J, Urcelay E, Ortiz MA, Arroyo R, Oksenberg JR, Antigüedad A, Tolosa E, Vandenbroeck K. *PLoS One.* 2013 Apr 24;8(4):e62376. doi: 10.1371/journal.pone.0062376.

TNFRSF1A polymorphisms rs1800693 and rs4149584 in patients with multiple sclerosis. Comabella M, Caminero AB, Malhotra S, Agulló L, Fernández O, Reverter F, Vandenbroeck K, Rodríguez-Antigüedad A, Matesanz F, Izquierdo G, Urcelay E, López-Larios A, Sánchez A, Otero S, Tintoré M, Montalban X. *Neurology.* 2013 May 28;80(22):2010-6.

Identification of a functional variant in the KIF5A-CYP27B1-METTL1-FAM119B locus associated with multiple sclerosis. Alcina A, Fedetz M, Fernández O, Saiz A, Izquierdo G, Lucas M, Leyva L, García-León JA, Abad-Grau Mdel M, Alloza I, Antigüedad A, García-Barcina MJ, Vandenbroeck K, Varadé J, de la Hera B, Arroyo R, Comabella M, Montalban X, Petit-Marty N, Navarro A, Otaegui D, Olascoaga J, Blanco Y, Urcelay E, Matesanz F. *J Med Genet.* 2013 Jan;50(1):25-33.

TESIS DIRIGIDAS RECIENTEMENTE (5 ÚLTIMOS AÑOS).

Título **Human long-chain acyl-CoA synthetase (ACSL5) variants: from gene to pathology**

Doctorando: Dorothy Ndagire.

Universidad: Granada

Facultad / Escuela: Biológicas

Fecha: 24/5/2012

Título **Bases Genéticas y Moleculares de la Esclerosis Múltiple**

Doctorando: Antonio Catalá Rabasa

Universidad: Granada

Facultad / Escuela: Farmacia

Fecha: 30/11/2012

Título: **Estudio de variantes genéticas y análisis epigenético de loci asociados a Esclerosis Múltiple.**

Estudiante: Mercedes Delgado

Universidad: Sevilla

Facultad / Escuela: Biología

Fecha: 21/11/2014

TRABAJOS FIN DE MÁSTER REALIZADOS

Título **Mapeo fino del gen hesosa-6-fosfato deshidrogenasa (H6PD) en esclerosis múltiple**

Estudiante Carina Duarte

Programa: **Master en Inmunología Molecular y Celular de la Universidad de Granada**

Universidad: Granada

Facultad / Escuela: Biológicas

Fecha Septiembre 2010

Título **Mapeo fino del locus de riesgo PANK4-HES5-TNFRSF14-C1ORF93-MMEL1 en esclerosis múltiple**

Estudiante Débora Falcón

Programa: **Master en Inmunología Molecular y Celular de la Universidad de Granada**

Universidad: Granada

Facultad / Escuela: Biología

Fecha: Diciembre 2010

Título **Asociación de la región 7p12.2 con Esclerosis Múltiple**

Estudiante: Cristina Barrionuevo

Programa: **Master de Genética y Evolución de la Universidad de Granada**

Universidad: Granada

Facultad / Escuela: Biología

Fecha: Julio 2012

PROYECTOS Y AYUDAS DE INVESTIGACIÓN

Título del proyecto **MAPEO FINO Y EXPRESIÓN DE LOS GENES DEL HLA USANDO NUEVAS TECNOLOGÍAS DE SECUENCIACIÓN Y APLICACIÓN EN ESCLEROSIS MÚLTIPLE**

Entidad financiadora: Junta de Andalucía, Consejería de Innovación, Ciencia y Empleo

Entidades participantes: CSIC, ERA7, Hospital Virgen Macarena

Duración, desde: Febrero **2014 Feb. 2017**

Investigador responsable: Fuencisla Matesanz del Barrio

Número de investigadores participantes: 7

Título del proyecto **IMPLICACIÓN DE LOS NIVELES DE EXPRESIÓN DE LOS GENES HLA CLASE II EN ESCLEROSIS MÚLTIPLE Y OTRAS INMUNOPATOLOGÍAS**

Entidad financiadora: Fondo de Investigación Sanitaria P12/00555

Entidades participantes: CSIC

Duración, desde: Enero **2013 Dic. 2015**

Investigador responsable: Fuencisla Matesanz del Barrio

Número de investigadores participantes: 3

Título del proyecto **MINER. APRENDIZAJE AUTOMÁTICO DE MODELOS DE INTERACCIÓN DE GENOTIPOS CON DISTINTOS NIVELES DE INCLUSIÓN DE CONOCIMIENTO EXPERTO**

Entidad financiadora: CEI BioTic Granada (BioTic 85)

Entidades participantes: CSIC, UGR

Duración, desde: Enero 2013 Dic. 2013

Investigador responsable: Fuencisla Matesanz del Barrio y Manuel Gómez Olmedo

Título del Proyecto: **RED ESPAÑOLA DE ESCLEROSIS MÚLTIPLE (REEM)**

Entidad financiadora: Fondo de Investigación Sanitaria/RETICS (RD07/0060/0019)

Entidades participantes: SAS, CSIC

Duración, desde: Enero **2013 Dic. 2016**

Investigador responsable: Guillermo izquierdo Ayuso/ Fuencisla Matesanz del Barrio

Número de investigadores participantes: 20

Título del proyecto **IDENTIFICACIÓN DE LAS VARIANTES CAUSALES ASOCIADAS A ESCLEROSIS MÚLTIPLE: APLICACIÓN A LA PREDICCIÓN TEMPRANA DE LA ENFERMEDAD**

Entidad financiadora: Fondo de Investigación Sanitaria /10/0526

Entidades participantes: SAS

Duración, desde: Enero 2011 Dic 2013

Investigador responsable: Fuencisla Matesanz del Barrio

Número de investigadores participantes: 1